

業務仕様書

1. 業務名 GRAS-Di 技術によるジェノタイピング解析業務
2. 業務目的 本業務は、DNA サンプルからジェノタイピング解析を実施することにより、一塩基多型の情報を得ることを目的とする。
3. 業務期限 契約日から令和6年3月8日
4. 納入場所 福井県小浜市堅海49-8-2
公立大学法人福井県立大学 かつみキャンパス
5. 業務内容
 - (1) 提供物
当大学より、以下のサンプル及びデータをそれぞれ提供する。
 - ① マダイの DNA サンプル (869 個体、濃度 30ng/μL 以上、液量 10μL 以上) 及び DNA サンプルの質に関するデータ
提供予定時期 12月
 - (2) 解析方法
 - ① DNA サンプルの品質確認
UV による吸光度測定により、サンプル DNA の濃度及び品質が、解析を実施する上で問題がないことを確認する。
 - ② GRAS-Di 法によるライブラリ調製
サンプル DNA を鋳型として、ランダムプライマーを用いた 2 回の PCR 反応により、ゲノムを一様にカバーしたアンプリコンを増幅し、GRAS-Di 用のシーケンスライブラリの調製を行う。いくつかのサンプルについて、PCR 産物の電気泳動により目的の増幅が成功していることを確認する。
 - ③ シーケンシング
次世代シーケンサー (DNBSEQ-G400) を用いて、150bp のペアエンドシーケンスを行う。シーケンスに使用する試薬は、MGI 社の純正品とすること。なお、1 サンプルあたりの期待リード数は平均 500 万リード (250 万リードペア) 以上で、1 サンプルあたりの期待データ量は平均 0.75Gb 以上とする。解析により得られた配列データを FASTQ 形式で HDD に記録し、サンプル提供ごとに解析終了後速やかに納品する。

6. 成 果 物

- (1) 作業報告書 1 部
- (2) 下記の情報を保存したハードディスク 1 台
 - ① シーケンシング配列データ (FASTQ 形式)
 - ② 品質結果

7. そ の 他

- (1) サンプルの送付にかかる費用は、請負業者が負担すること。
- (2) 本業務の履行により直接又は間接に知り得た情報を第三者に漏らしてはならない。契約期間満了後又は契約期間解除後も同様とする。
- (3) 本業務において利用する個人情報及び研究データについて、本業務以外の目的で利用してはならない。また、無断で第三者へ提供してはならない。
- (4) 詳細については、担当職員と協議の上、その指示に従うこと。